



Taller y Simposio Internacional Genómica de Plantas: Aplicaciones al Mejoramiento Genético

Junio 7 y 8 2011
INIA-La Platina, Santiago, Chile

Organizan: Instituto de Investigaciones Agropecuarias (**INIA**) y Centro de Estudios Avanzados en Fruticultura (**CEAF**).

Patrocinan: Sociedad Genética de Chile (**SOCHIGEN**) y Comisión Nacional de Investigación Científica y Tecnológica (**CONICYT**)

Coordinadores: Dr. Patricio Hinrichsen, Dr. Boris Sagredo.

Objetivos del Taller:

1. Acercar las herramientas y recursos genómicos a los programas de mejoramiento genético
2. Fortalecer lazos de cooperación científica entre países del cono sur, para aumentar nuestras capacidades en la utilización de la genómica en la conservación y mejoramiento genético de plantas.

Tópicos:

- a) Los avances en el conocimiento de los genomas de especies modelo y cultivadas: Arabidopsis, papa, vid y durazno.
- b) Bioinformática, una herramienta para explotar los recursos genómicos
- c) Análisis genético-genómicos y su uso en el mejoramiento genético de papa, vid y duraznos

Publico de interés: Investigadores y estudiantes de genética, genómica, fisiología y biología vegetal y mejoradores de especies cultivadas.

Especialistas Participantes:

Dr. Robin Buell, Michigan State University, USA
Dra. Caroline Castro, Embrapa, Brasil
Dr. Sergio Feingold, INTA, Argentina
Dr. Mauricio Gonzales, INIA-CEAF, Chile
Dr. Rodrigo Gutiérrez, PUC, Chile
Dr. Patricio Hinrichsen, INIA-CEAF, Chile
Dr. Hannele Kreuze, CIP, Perú
Dr. Alejandro Maass, CMM-LBMG, U. de Chile, Chile
Dr. Lee Meisel, UNAB, Chile
Dr. Paulo Melo, Embrapa, Brasil
Dr. Ariel Orellana, UNAB, Chile
Dr. Humberto Prieto, INIA, Chile
Dr. Boris Sagredo, INIA-CEAF, Chile
Dr. Herman Silva, U. de Chile, Chile
Dr. Romilio Espejo, INTA-U. de Chile, Chile





PROGRAMA

7 Junio (Mañana). Coordina Dr. Patricio Hinrichsen

I. Situación de los genomas de plantas: Plantas modelos y cultivos

Genoma de Arabidopsis (Dr. Rodrigo Gutierrez, PUC, Chile)

Genoma de la vid (Dr. Patricio Hinrichsen, INIA-CEAF, Chile)

Genoma del durazno (Dr. Herman Silva, U. de Chile, Chile)

Genoma de la papa (Dr. Robin Buell, Michigan State University, USA)

7 Junio (Tarde). Coordina Dr. Nilo Mejia.

II. Recursos Bioinformáticos: el caso del genoma de la papa y de la vid

(Integración de mapas genéticos mapas físicos y secuencias genómicas. Anotación de genes, herramientas de búsqueda, análisis y comparación con otras secuencias. Plataformas y herramientas bioinformáticas)

Dr. Romilio Espejo (INTA-U. de Chile)

Dr. Alejandro Maass (CMM-LBMG -U. de Chile)

Dr. Nilo Mejia (INIA)

Dr. Robin Buell (MSU)

8 Junio (Mañana). Coordina Dr Mauricio González.

III. Análisis de expresión global e identificación y validación de genes candidatos

(Métodos de búsqueda de genes candidatos, análisis de bases de datos, microarreglos, secuenciación y análisis de transcriptomas, técnicas de validación, etc.)

Dr. Mauricio Gonzales (INIA-CEAF)

Dr. Humberto Prieto (INIA)

Dr. Lee Meisel (UNAB)

Dr. Ariel Orellana (UNAB)

8 Junio (Tarde). Coordina Dr. Sergio Feingold.

IV. Diversidad alélica en poblaciones, desarrollo de marcadores moleculares y sus aplicaciones al mejoramiento genético.

(HRM, secuenciación, clonamiento posicional, etc.).

Dra Hannele Kreuze (CIP)

Dr. Sergio Feingold (INTA)

Dra. Caroline Castro (EMBRAPA)

Dr. Boris Sagredo (INIA-CEAF)

Dra. Flor Rodriguez (INIA ; por confirmar)

Mesa Redonda y Discusión

